

| | | | | | | | |
|----------------------|--|-------------------------------------|----------|---------------------------------|---|--|--|
| دروس پیش‌نیاز: ندارد | <input type="checkbox"/> نظری | <input type="checkbox"/> چیرانی | نوع واحد | تعداد واحد: ۲ تعداد ساعت: ۳۲ | عنوان درس به فارسی: ژنتیک جمیعت گیاهی | | |
| | <input type="checkbox"/> عملی | <input type="checkbox"/> پایه | | | عنوان درس به انگلیسی: Plant Population Genetics | | |
| | <input type="checkbox"/> نظری | <input type="checkbox"/> الزامی | | | | | |
| | <input type="checkbox"/> عملی | <input type="checkbox"/> اختباری | | | | | |
| | <input type="checkbox"/> نظری | <input checked="" type="checkbox"/> | | | | | |
| | <input type="checkbox"/> عملی | <input checked="" type="checkbox"/> | | | | | |
| | آموزش تکمیلی عملی: دارد <input type="checkbox"/> ندارد <input checked="" type="checkbox"/> | | | | | | |
| | سفر علمی <input type="checkbox"/> کارگاه <input type="checkbox"/> آزمایشگاه <input type="checkbox"/> سمینار <input checked="" type="checkbox"/> | | | | | | |

اهداف کلی درس:

در این درس دانشجویان کارشناسی ارشد با مبانی ژنتیک جمیعت خصوصاً با نیروهای تکاملی مانند جهش، گزینش طبیعی، رانش ژنتیک و جریان ژنی در ارتباط تزدیک با پدیدهای مانند درون آمیزی، نوترکیبی، عدم تعادل گامتی آشنا می‌شوند، و در ادامه به مطالعه مباحثی مانند تکامل و ژنتیک مولکولی جمیعت، همگرانی و تبار ژنی، تبارزایی مولکولی و استفاده از صفات کمی در ژنتیک تکاملی می‌پردازد.

اهداف رفتاری درس:

دانشجو در پایان این درس به اهمیت دانش ژنتیک در شناخت فرایندهای دخیل در تکامل موجودات زنده پی برده و با توجه به دانش کسب شده می‌تواند به تجزیه تحلیل داده‌های مولکولی حاصل از جمیعتها پرداخته و دانش کسب شده را در تحقیقات آتی خود بکار گیرد.

سرفصل یا رئوس مطالب:

- ۱- مقدمه شامل مروری بر ژنتیک کلاسیک، ژنتیک در جوامع طبیعی، روش‌های مطالعه ژنتیک جمیعت، برخی مقاهیم مقدماتی آمار
- ۲- تخمین میزان تنوع ژنتیکی: تخمین فراوانی آلل و فراوانی ژنتیکی، عادل هاردی واینبرگ، درون آمیزی و فراوانی ژنتیکی
- ۳- اصول گزینش طبیعی: مغلوب، گزینش علیه اللهای مغلوب، اللهای بارز، بیش بارزیت، گزینش طبیعی مرتبط به فراوانی، گزینش مرتبط به تراکم
- ۴- رانش ژنتیکی و اندازه موثر جمیعت: اثر نمونه برداری بر رانش ژنتیکی، مدل‌های رانش ژنتیکی، اندازه موثر جمیعت، روش‌های تخمین اندازه موثر، تنگنا و بتیان گذار در جمیعت، اثر درون آمیزی بر اندازه موثر



۵- ساختار جمعیت و جریان زنی؛ تعریف ساختار جمعیت، اندازه گیری جریان زنی، شاخص ثبیت و تمایز رُنتیک، استفاده از شاخص ثبیت برای تخمین بخش بندی جمعیت، اثر واهلوند (Wahlund)، مدل‌های ساختار جمعیت، تعادل گزینش با مهاجرت

۶- جهش؛ منبع اولیه نوع رُنتیک، سرنوشت یک جهش جدید، جهش خنثی، مضر و پرفایده، بار رُنتیک، پدیده Muller's Ratchet مدل‌های جهش، اثر جهش بر روی فراوانی آلل، تعادل جهش با گزینش، تخمین میزان جهش

۷- رُنتیک جمعیت مولکولی؛ نظریه خنثی در تکامل مولکولی، نظریه تقریباً خنثی، سنجش میزان چندشکلی و واگرایی، ساعت مولکولی و کاربردها، روش‌های آزمون نظریه خنثی، آزمون ایوان-واترسون، MK.HKA و (coalescence) Tajima's D و نسبت K_A/K_S ، شجره نامه زنی و نظریه همگرایی

۸- عدم تعادل گامتی و نوترکیبی؛ تعریف عدم تعادل گامتی، روش‌های تخمین عدم تعادل گامتی، اثر جهش، درون آمیزی، رانش رُنتیک و جریان زنی بر روی عدم تعادل گامتی، گزینش زمینه و یدکی، میزان نوترکیبی، فواید و مزایای نوترکیبی، اثر روبرتسون-هیل

۹- تنوع و تکامل در صفات کمی؛ صفات کمی، اجزاء تنوع فتویی، اندازه گیری تغییرات تکاملی در صفات کمی، وراثت پذیری و اندازه گیری آن، پاسخ به گزینش، زنهای موثر بر صفات کمی، شناسایی مکان زنی صفات کمی با استفاده از شجره و تلاقی، نقشه‌یابی تک نشانگری و چند نشانگری نقشه‌یابی با استفاده از عدم تعادل گامتی روش ارزیابی:

| پروژه | آزمون‌های نهایی | میان‌ترم | ارزشیابی مستمر |
|-------|---------------------|----------|----------------|
| * | آزمون‌های نوشتاری * | * | - |
| | عملکردی - | | |

منابع:

1. Hamilton, M.B. (2009) Population genetics Wiley, John & Sons.
2. Halliburton, R. (2004) Introduction to Population Genetics Pearson/Prentice Hall, Upper Saddle River, N.J.
3. Hedrick, P.W. (2011) Genetics of Populations, Fourth Edition. Jones & Bartlett Publishers, MA.

